

PROCEDURA SELETTIVA, PER TITOLI ED ESAMI, CATEGORIA D, POSIZIONE ECONOMICA D1, del CCNL Università 2006-2009 a tempo determinato a valere sulle risorse PNRR per il Progetto "National Biodiversity Future Center" (NBFC)– CENTRO NAZIONALE DI RICERCA BIODIVERSITA' (CN00000033), Spoke 2", AREA TECNICA, TECNICO-SCIENTIFICO ED ELABORAZIONE DATI, PRESSO IL DIPARTIMENTO DI SCIENZE DELLA TERRA, DELL'AMBIENTE E DELLA VITA,
PROCEDURA 6 DISTAV - 1 posto - Progetto SPOKE 2 - C.U.P. D33C22000960007

INDETTA CON D.D.G. N. 164 DEL 19.01.2023, PUBBLICATO NELLA G.U. - 4^ SERIE SPECIALE CONCORSI ED ESAMI, N. 5 DEL 20.01.2023

TRACCE PROVA SCRITTA

Il giorno 20.06.2023 alle ore 13:30 presso il DISTAV (presso l'aula BF.17 – Palazzina delle Scienze) ha luogo la seconda riunione della Commissione esaminatrice della procedura di cui al titolo per lo svolgimento della prova scritta.

La Commissione al completo, dopo ampia discussione, stabilisce, a norma dell'art. 13, comma 6 del "Regolamento di assunzione del personale tecnico amministrativo" di questo Ateneo, le seguenti tre tracce:

TRACCIA 1

- 1.a) Definire e descrivere sinteticamente un protocollo di targeted sequencing per la ricerca di geni bersaglio (es. geni ARGs microbici) in un campione di sedimento marino
- 1.b) Dato un file di sequenze 16SrRNA in formato FAST5 generate dal sequenziamento Nanopore di un campione d'acqua marina definire e descrivere sinteticamente (anche con l'ausilio di diagrammi a flusso) la pipeline bionformatica per l'analisi della struttura e biodiversità delle comunità microbiche nel campione
- 1.c) Descrivere brevemente un protocollo di estrazione del DNA da un campione di acqua di mare

TRACCIA 2

- 2.a) Definire e descrivere sinteticamente un protocollo di shotgun sequencing per l'analisi metagenomica delle comunità microbiche in un campione di sedimento marino
- 2.b) Dato un file di sequenze 16SrRNA in formato FASTQ generate dal sequenziamento Illumina di un campione d'acqua marina definire e descrivere sinteticamente (anche con l'ausilio di diagrammi a flusso) la pipeline bionformatica per l'analisi della struttura e biodiversità delle comunità microbiche nel campione.
- 2.c) Descrivere brevemente un protocollo di estrazione del DNA da un frammento di corallo marino

TRACCIA 3

- 3.a Definire e descrivere sinteticamente un protocollo di metabarcoding per lo studio delle comunità procariotiche associate ai coralli marini.
- 3.b) Dato un file di sequenze in formato FASTQ generate dal sequenziamento shotgun su piattaforma Illumina di un campione d'acqua marina definire e descrivere sinteticamente (anche con l'ausilio di diagrammi a flusso) la pipeline bionformatica per l'analisi metagenomica delle comunità microbiche nel campione.
- 3.c) Descrivere brevemente un protocollo di estrazione del DNA da un campione di sedimento marino.

Viene estratta la prova indicata con il n. 2

La Commissione:

-	Firmato	Laura Canesi	Presidente
-	Firmato	Francesca Garaventa	Componente
-	Firmato	Valter Capicchioni	Componente
-	Firmato	Daniela Tuzzoli	Segretario